

**Тематический план занятий  
по практике «Производственная практика (преддипломная практика, в  
том числе научно-исследовательская работа)»  
для обучающихся 2021 года поступления  
по образовательной программе бакалавриата  
направления подготовки  
06.03.01 Биология,  
профиль Биохимия/ профиль Генетика,  
форма обучения очная  
на 2024- 2025 учебный год**

№	Тематические блоки <sup>1</sup>	Часы (академ.)
1.	<b>Вводное занятие. Знакомство студентов с целью и задачами учебной практики.</b> <sup>3</sup> Техника безопасности во время проведения практики. Знакомство с оборудованием и лабораторной базой практики. Понятие о современных электронных базах данных. <sup>3</sup>	3
	Формирование индивидуальных заданий. Планирование основных этапов исследования в виде развернутого плана исследования.	6
2.	<b>Вводный этап проведения научного исследования.</b> <sup>2</sup> Постановка цели и задачи исследования. Анализ литературных данных с использованием компьютерных приложений. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
3.	<b>Генетическая база данных NCBI.</b> <sup>2</sup> Основные компоненты базы данных Настройка алгоритмов поиска. Индивидуальная обработка настройки алгоритмов поиска. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная отработка навыка работы в программных приложениях по молекулярной биологии. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
4.	<b>Современные компьютерные приложения для работы с последовательностями генома.</b> <sup>2</sup> Многофункциональное биоинформатическое приложение Vector NTI. Основные инструменты и алгоритмы. Моделирование рестрикционного анализа, гель-электрофореза, построение дендрограмм. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная отработка навыка работы в программных приложениях по молекулярной биологии. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
5.	<b>Компьютерные приложения для работы с полигеномными последовательностями микроорганизмов.</b> <sup>2</sup> Система	3

	эффективного построения мультиметного выравнивания генома с учетом перегруппировки и инверсии Mauve. Mega. Ugene. Основные компоненты и возможности. Интерпретация результатов. <sup>3</sup>	
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная отработка навыка работы в программных приложениях по молекулярной биологии. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
6.	<b>Моделирование различных этапов молекулярно-биологического исследования.</b> <sup>2</sup> Использование приложений Vector NTI и Ugene для моделирования рестрикционного анализа и гель-электрофореза. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная отработка навыка работы в программных приложениях по молекулярной биологии. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
7.	<b>Методы выделения нуклеиновых кислот.</b> <sup>2</sup> Методы экстракции на основе органических растворителей, с помощью силики, гель-фильтрации, магнитных частиц, ионообменных смол, на микроцентрифужных колонках, бумажных фильтрах. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
8.	<b>Электрофорез нуклеиновых кислот. Рестрикционный анализ ДНК.</b> <sup>2</sup> Классификация эндонуклеаз рестрикции. Сайты рестрикции. Изошизомеры. Искусственные рестриктазы. Электрофорез в полиакриламидном и агарозном геле. Капиллярный электрофорез. Пульс-электрофорез. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
9.	<b>Полимеразная цепная реакция.</b> <sup>2</sup> Основные компоненты ПЦР-смеси и их роль. Этапы и температурные режимы. Ингибиторы ПЦР. Проблема контаминации. Контроли и реакции амплификации. Этап пробподготовки материала для анализа. Сборка реакционной смеси. Постановка реакции. Интерпретация результатов. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6

10.	<b>Конструирование олигонуклеотидных затравок для полимеразной цепной реакции.<sup>2</sup></b> Основные критерии для выбора праймеров для выбора ПЦР. Проверка сконструированных олигонуклеотидных затравок <i>in silico</i> . <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
11.	<b>Методы детекции продуктов ПЦР.<sup>2</sup></b> Метод гель-электрофореза для визуализации ампликонов. Флуоресцентная детекция результатов ПЦР. Основные характеристики флуоресцентных красителей и гасителей флуоресценции. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
12.	<b>Методы секвенирования 1-го поколения.<sup>2</sup></b> Основные принципы секвенирования по Сэнгеру: «плюс-минус» метод и метод «обрыва цепи». Компоненты реакционных смесей и их функции. Анализ данных Сэнгеровского секвенирования. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
13.	<b>Методы секвенирования 2-го поколения.<sup>2</sup></b> Массовое параллельное секвенирование. Основные характеристики методов и платформ секвенирования 2-го поколения. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
14.	<b>Методы генотипирования.<sup>2</sup></b> Методы молекулярного типирования на основе рестрикции. ПЦР и секвенирования. Достоинства и недостатки, области применения. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
15.	<b>Расчет длины гена на основе данных о кодируемой белке.<sup>2</sup></b> Использование теоретических знаний о физических свойствах и параметрах биополимеров для решения молекулярно-генетических задач. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6

16.	<p><b>Принцип комплементарности.<sup>2</sup></b> Применение принципа комплементарности для построения антипараллельных последовательностей ДНК. Транскрипция ДНК и обратная транскрипция. Восстановление структуры ДНК с использованием РНК в качестве матрицы.<sup>3</sup></p>	3
	<p>Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.</p>	6
17.	<p><b>Матричные РНК.<sup>2</sup></b> Посттранскрипционные модификации РНК. Анализ структуры мРНК. Моноцисторная и полицисторная мРНК. Кодифирующие и нетранслируемые области. Вторичная структура процессинг транспортной РНК. Расчет количества молекул тРНК, принявших участие в синтезе полипептида заданной длины.<sup>3</sup></p>	3
	<p>Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.</p>	6
18.	<p><b>Открытые рамки считывания. Трансляция ДНК. Опероны и регулоны.<sup>2</sup></b> Поиск и анализ открытых рамок считывания. Кодоны и триплеты. Работа с таблицами соответствия кодонов мРНК и аминокислот. Синонимичные и не синонимичные однонуклеотидные замены. Работа с таблицами соответствия кодонов мРНК и аминокислот. Трансляция нуклеотидных последовательностей в аминокислотные. Восстановление вероятных структур ДНК по аминокислотной последовательности. Анализ структуры и функции различных оперонов прокариот.<sup>3</sup></p>	3
	<p>Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.</p>	6
19.	<p><b>Горячие точки генома.<sup>2</sup></b> Поиск точек генома. Прогнозирование возникновения мутаций в результате спонтанного дезаминирования на основе данных о метилировании фрагмента ДНК.<sup>3</sup></p>	3
	<p>Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.</p>	6
20.	<p><b>Эффекты, оказываемые мутациями.<sup>2</sup></b> Выявление изменений открытой рамки считывания и структуры аминокислотной последовательности в результате мутаций различных типов.<sup>3</sup></p>	3
	<p>Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.</p>	6

21.	<b>Модели мутагенеза.<sup>2</sup> Часть 1.</b> Полимеразная и Таутометричная мутагенезы. Моделирование на уровнях репликации, репарации и рекомбинации. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
22.	<b>Модели мутагенеза.<sup>2</sup> Часть 2</b> Полимеразная и Таутометричная мутагенезы. Моделирование на уровнях репликации, репарации и рекомбинации. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
23.	<b>Выделение нуклеиновых кислот.<sup>2</sup> Часть 1.</b> Выделение тотальной хромосомной ДНК. Анализ фактического материала, оформление полученных данных. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
24.	<b>Выделение нуклеиновых кислот.<sup>2</sup> Часть 2.</b> Выделение тотальной хромосомной ДНК. Анализ фактического материала, оформление полученных данных. <sup>3</sup>	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
	Оценка практических навыков.	3
	Выполнение индивидуальных заданий. Индивидуальное изучение нормативной и методической документации. Индивидуальная обработка и оформление собственных результатов в рамках выполнения отчетной работы по результатам выполнения индивидуальных заданий.	6
	Защита отчетной документации по практике. Учебно-практическая конференция по итогам практики.	3
	Размещение отчетной документации в электронной информационно-образовательной среде вуза.	6
	<b>Итого</b>	<b>240</b>

<sup>1</sup> – один тематический блок включает в себя несколько занятий, проводимых в форме практической подготовки, продолжительность одного занятия 45 минут с перерывом между занятиями не менее 5 минут, продолжительность одного тематического блока составляет от 1 до 24 дней

Рассмотрено на заседании кафедры фундаментальной медицины и биологии  
«22» мая 2024 г., протокол №10

Заведующий кафедрой



А.В.Стрыгин